

文部科学省と国立大学附置研究所・センター 個別定例ランチミーティング

第66回 愛媛大学 プロテオサイエンスセンター (2023.11.24)

12:05 – 12:10(5分) : 研究所・センターの概要
センター長 澤崎 達也

12:10 – 12:25(15分) : 若手研究者からのプレゼン
愛媛大学PROS独自のタンパク質研究技術を基盤にした研究
・サリドマイド催奇性の分子メカニズムの解明
・次世代治療薬「タンパク質分解誘導剤」の解析技術開発
特定助教 山中 聰士

12:25 – 12:45(20分) : 質疑応答

プロテオサイエンスセンター

沿革

タンパク質に関する研究を行うと共に、国内・国外での、この分野の研究に従事する者の利用に供する。

2003年 無細胞生命科学工学研究センターの設立
(工学部・理学部からの教員: 4部門)

2013年 プロテオサイエンスセンターとして改組
(医学部からの4研究室を加え: 12部門)

2021年 PRiME (共同利用・共同研究拠点認定)

2022年度～  PRiME
PROS Joint Research Program for Protein Interactome

ミッショ n

タンパク質を対象とした、生命機能や感染症・疾患機構の解明およびタンパク質解析に関する新技術の開発を進め、タンパク質利用の実用化を推進して、タンパク質科学の技術革新の基盤構築と、健康社会を実現する。



第4期中期計画における課題

● “世界の未来を切り拓く”

- 1) 新たな学問領域の創出および生命科学分野の人材育成
- 2) 企業も含めたイノベーションの創出
- 3) 国際的な共同研究の発展

● “地域とともに新しい価値を創る”

- 愛媛県の強みである個性豊かな農業・水産業に対して、
- 1) 独自バイオ技術を融合させ新しい価値を付加した商品の開発などに貢献し地域バイオ産業のハブとして機能する

タンパク質研究を主とする研究所・センター

全国の共同利用・共同研究拠点108拠点中
タンパク質を主とする拠点は2拠点



愛媛大学
プロテオサイエンスセンター

タンパク質の機能解析
相互作用解析
複合体解析
創薬モダリティ創出



タンパク質の構造科学



PROS 独自技術

コムギ無細胞タンパク質合成技術

小麦 → 種子 → 胚芽 → 抽出液 → タンパク質合成反応

抽出液を用いてタンパク質を合成する

世界No.1の真核生物型無細胞系

大規模タンパク質セットとスクリーニングシステム

ナノヘッド

ヒト 28,000種
マラリア 3,000種
ウイルス ~200種
その他 >10,000種
マウスや植物など

AlphaScreen 法
プロテインアレイを用いたインタラクトーム解析技術

湿度・温度制御分注器

世界No.1のタンパク質保有数と相互作用解析技術

近位依存性標識酵素 (AirID)

AirID 標的タンパク質 生体内のタンパク質複合体

ビオチン B ATP

近位依存性 ビオチン標識

ビオチン化された相互作用タンパク質の同定

生体内の複合体タンパク質が分かる

標的タンパク質 がん細胞 etc

マウス

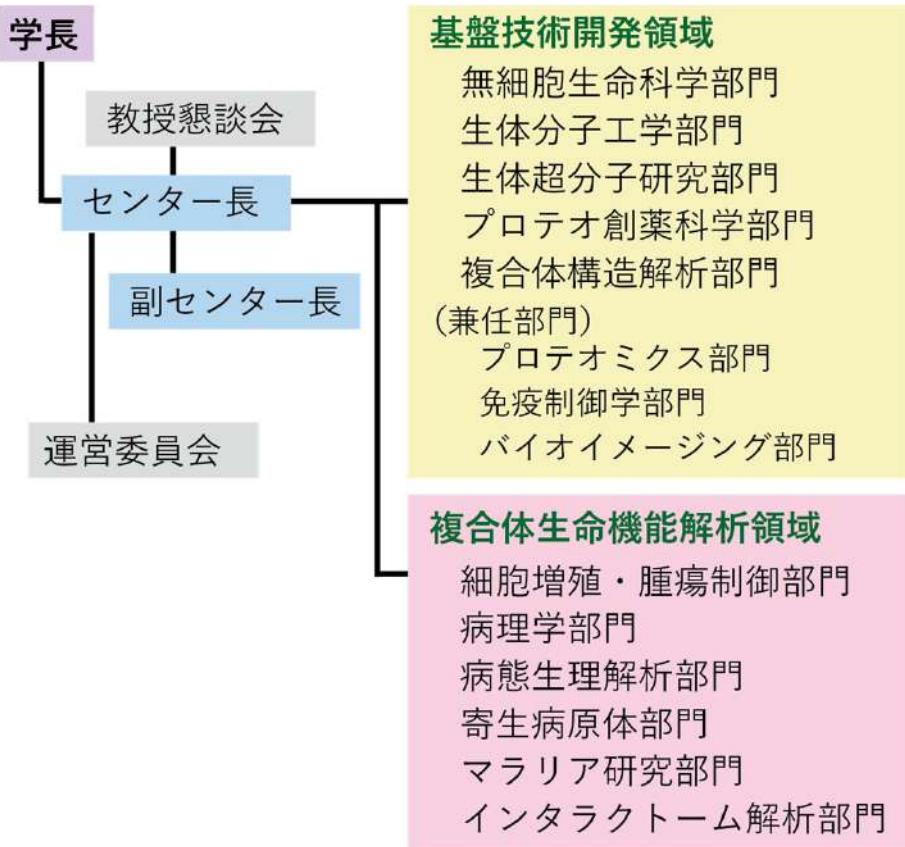
薬剤標的タンパク質の同定

胸腺・脳・胎児 etc

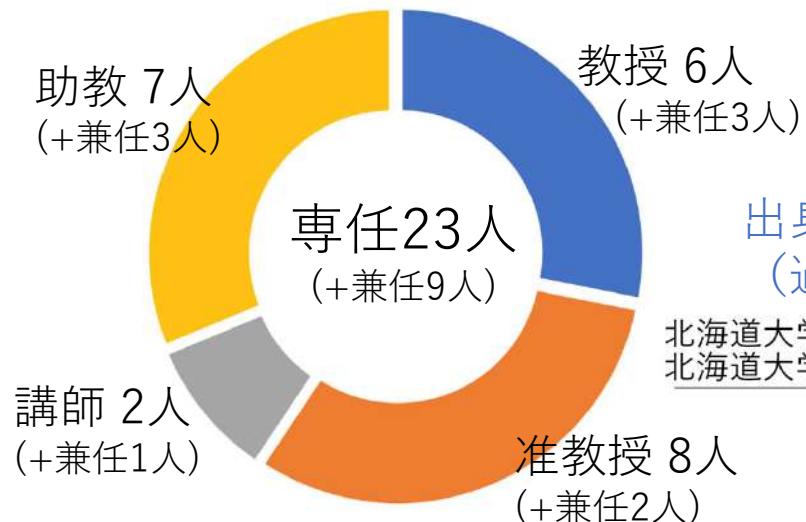
世界No.1の生体内インタラクトーム解析用酵素

組織・人員構成

組織 工学部・理学部・医学部の研究者が集合した異分野融合型組織



教職員



- 技術職員(常勤) : 2
- (非常勤) : 25
- 事務職員(常勤) : 2
- (非常勤) : 11

出身教員の昇進状況 (過去5年)



研究力・研究費の推移

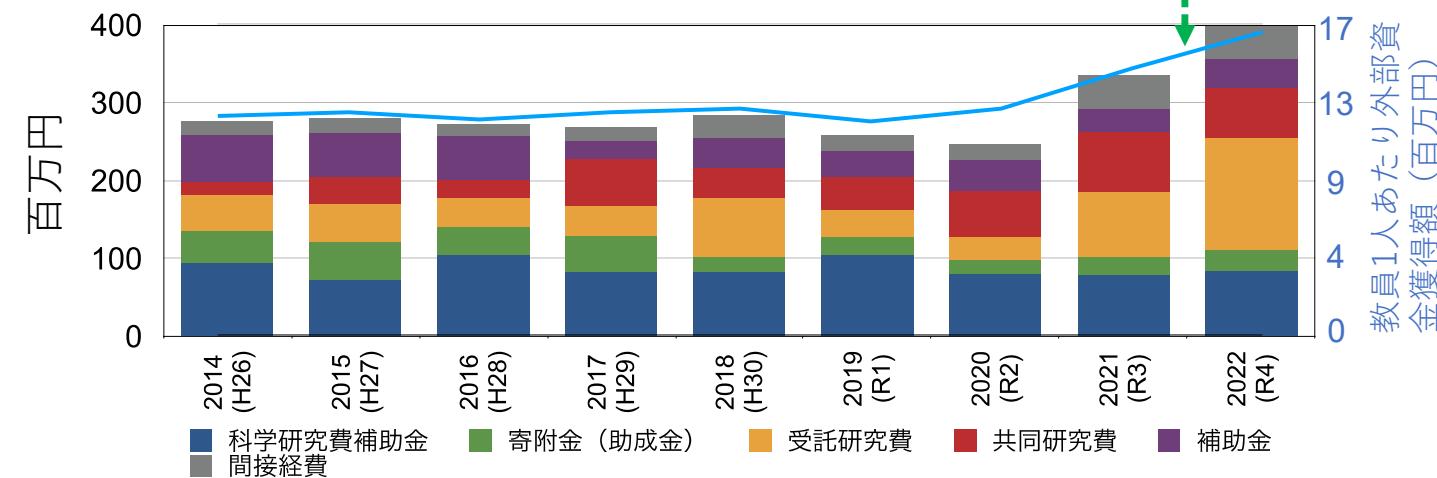
論文数



TOP10%学術誌への
論文掲載の割合（10年間）

40.7%

研究費



教員1人あたり
外部資金獲得額 (2022年度)

16.6

百万円

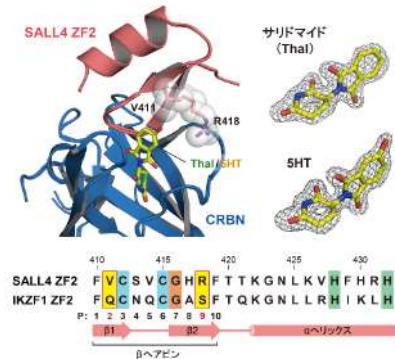
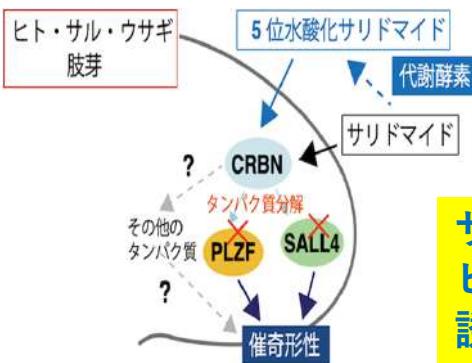
共同研究拠点での
取組により
増加している

共同研究



異分野融合の研究成果（セレクト）

サリドマイド催奇形機構の解明と **世界初**複合体内のサリドマイドの 高解像度構造解析に成功 (ヒトプロテインアレイ)



サリドマイドがヒトで催奇性を誘導するモデル

催奇性を誘導する
サリドマイドの
複合体内での詳細
な構造

Nat Commu 2020
EMBO J 2021

世界初の無症状の肝内休眠型保有者を診断できる技術（マラリア原虫プロティンアレイ）

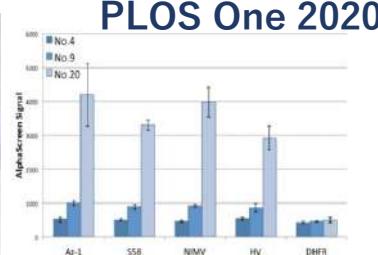
Nat Med 2020



8種類のマラリア抗体で 三日熱マラリア肝内休眠型を 診断できる

愛媛県内の柑橘ウイルスに対する検査キットの開発（PROS 保有抗体構築技術活用） (県内農林施設等と共同)

PLOS One 2020



愛媛県
ブランド 紅まどな



開発中検査 キットの概要

農業現場
で簡単に
ウイルス
感染の
検査可能

社会への波及効果

プロテイン・アイランド・松山（PIM）

地方自治体との協働事業（20年以上継続）

【PIM主催者】愛媛大学 愛媛県 松山市 松山商工会議所
愛媛経済同友会



【PIM一般向け体験セミナー（毎年開催）】
2007年から毎年100人程度の中高生を中心とした一般の方を対象に、オリジナルキットで実験を行っている。



愛媛県の主要産業である養殖魚の魚病ワクチン（PROSで作製した真鯛感染ウイルスタンパク質）の技術紹介



愛媛県産の真鯛を使った食育講習

【技術講習会（毎年開催）】
2022年に南予地域で開催

愛媛大学PROS独自の タンパク質研究技術を基盤にした研究

- ・ サリドマイド催奇性の分子メカニズムの解明
- ・ 次世代治療薬「タンパク質分解誘導剤」の解析技術開発

愛媛大学 プロテオサイエンスセンター
　　インタラクター解析部門
JST創発的研究支援事業研究者
　　特定助教 山中 聰士

略歴

山中 聰士(やまなか さとし) 31歳

学歴

2011年3月	愛媛県立大洲高等学校 卒業
2011年4月	愛媛大学工学部応用化学科 入学
2015年3月	愛媛大学工学部応用化学科 卒業(澤崎達也研究室)
2017年4月	愛媛大学大学院 博士前期課程 修了
2020年4月	愛媛大学大学院 博士後期課程 修了 博士（工学）の学位取得 論文名「ケミカルバイオロジーに基づいたユビキチン修飾により制御されるタンパク質分解とシグナル伝達に関する研究」

職歴

2017年4月～2020年3月	独立行政法人日本学術振興会 特別研究員 (DC1)
2020年4月～2022年3月	愛媛大学プロテオサイエンスセンター 無細胞生命科学部門 特定研究員
2022年4月～現在	愛媛大学プロテオサイエンスセンター インタラクトーム解析部門 特定助教(PI)
2023年4月～	JST創発的研究支援事業研究者(水島パネル)

研究分野

タンパク質分解酵素
低分子化合物依存的な標的タンパク質分解
細胞内・生体内における低分子化合物依存的な相互作用解析

サリドマイドの歴史

- ・ サリドマイドは1950年代末に西ドイツで開発され、鎮静・睡眠薬として世界中の40カ国以上で販売された。
- ・ 特に、妊婦のつわりに対して使用されたが、妊娠初期に服用すると胎児の手足、耳などに奇形を引き起こす
催奇性誘発能が世界中で報告され、1961年に販売停止と回収が行われた。

サリドマイド薬害 (1957-61年)



<https://www.mhlw.go.jp/stf2/shingi2/2r985200000rwbu-att/2r985200000rwkk.pdf>

日本における薬害 (死産含めて約1000例)



1973.12.24 朝日

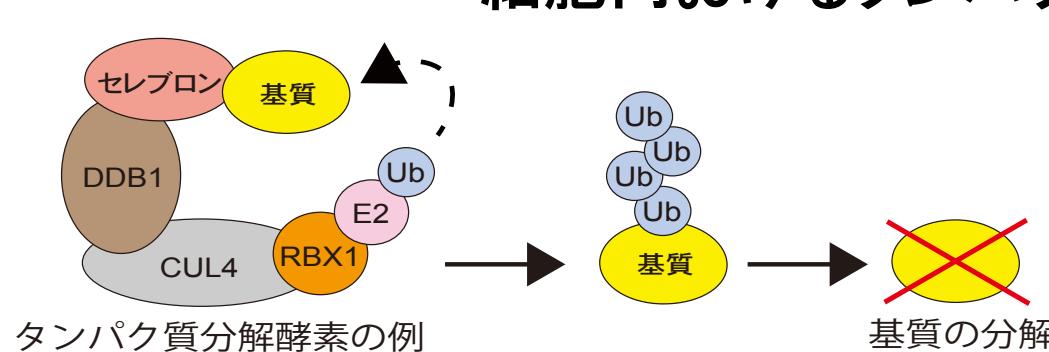
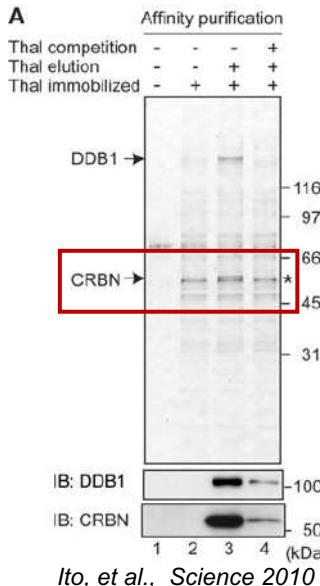
- ・ 大日本製薬(現:住友ファーマ株式会社)から**睡眠薬**「イソミン」として販売。
- ・ 日本では、販売停止及び回収が10ヶ月遅れたことで被害が増大した。

- ・ ハンセン病や血液がん(多発性骨髄腫)に対する有効性が示され、**薬害から40年間の時を経て再認可**された。
- ・ 現在では、米国製薬会社ブリストルマイヤーズスクイブ社が開発したサリドマイド誘導体であるレナリドミドを中心に、**血液がんの治療薬**として年間1兆円～2兆円の規模で使用されている。

サリドマイドやその誘導体は代表的な低分子薬剤であるが、
開発から半世紀以上その作用メカニズムは不明だった。

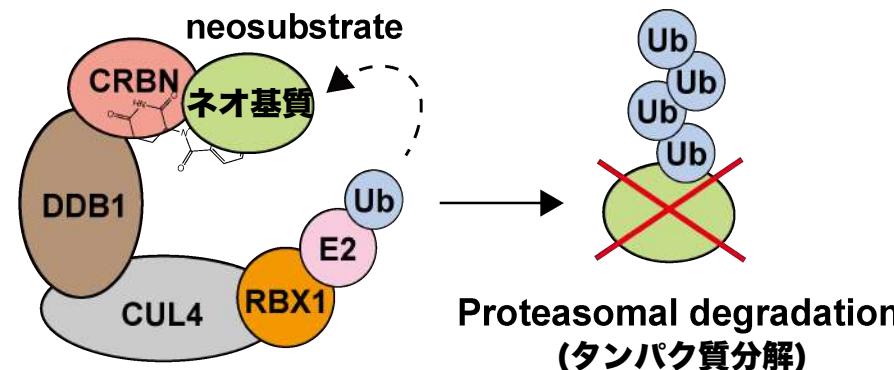
サリドマイドの作用メカニズム

サリドマイド標的タンパク質
セレブロン(CRBN)の発見

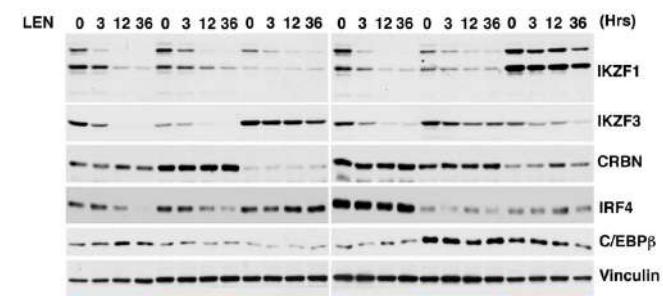
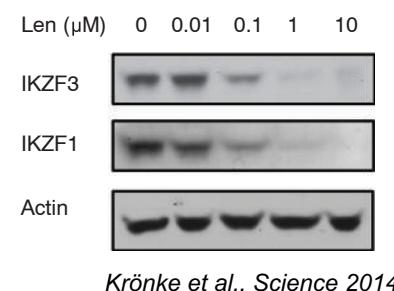


タンパク質分解酵素は、適切なタイミングで適切な基質タンパク質を特異的に認識し、分解する。

- ・本システムによって細胞内の80%以上のタンパク質を分解する。
- ・タンパク質分解は厳密に制御されており、本システムの破綻はアルツハイマー病やがんなどの様々な疾患の原因となる。



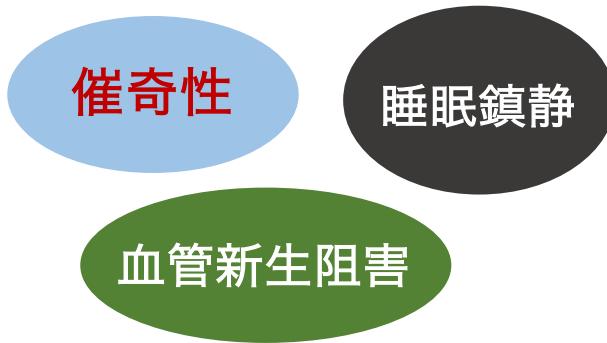
ネオ基質IKZF1, IKZF3の発見



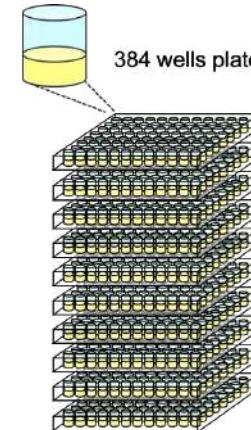
サリドマイドやその誘導体はタンパク質分解酵素CRL4^{CRBN}をハイジャックし、
本来基質ではない基質「ネオ基質」を分解誘導する。

コムギ無細胞系を用いたサリドマイド催奇性標的分子の探索

催奇性に関するネオ基質は未発見であった。(研究開始当時)



コムギ無細胞系を用いたプロテインアレイの構築



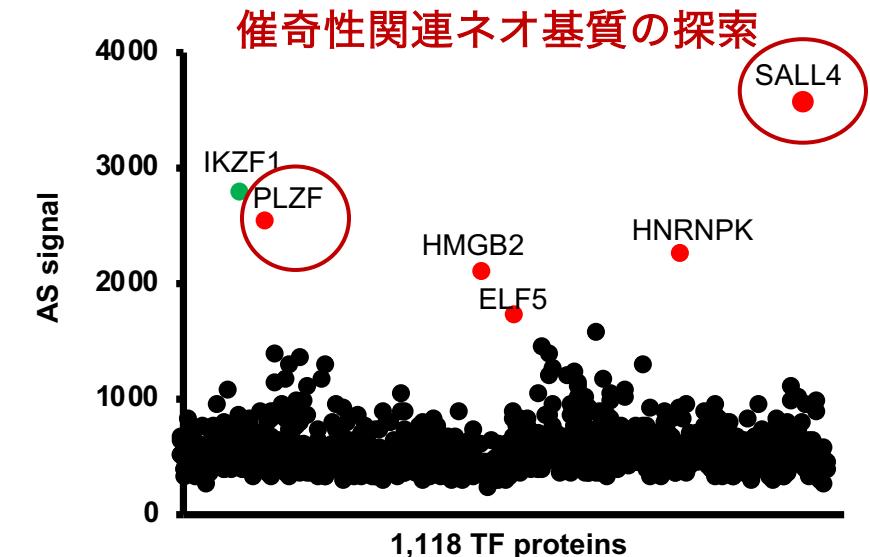
Protein array
28K-HUPA

Focused HUPA

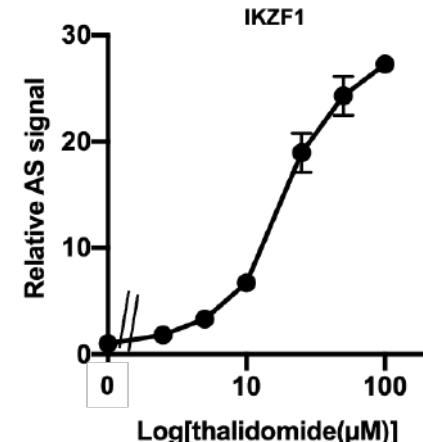
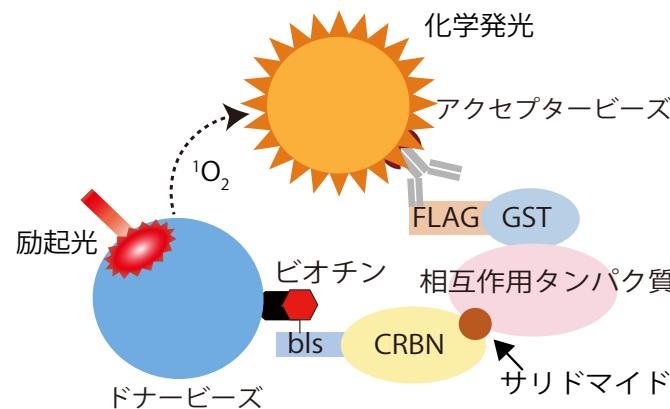
- Membrane, BTB
- Signal transduction: NF- κ B, TGF- β , ...
- Tissue specific HUPA: T-cell, BC, ...
- Transcription factor

Collaboration with Kazusa DNA Res. Inst.

催奇性関連ネオ基質の探索



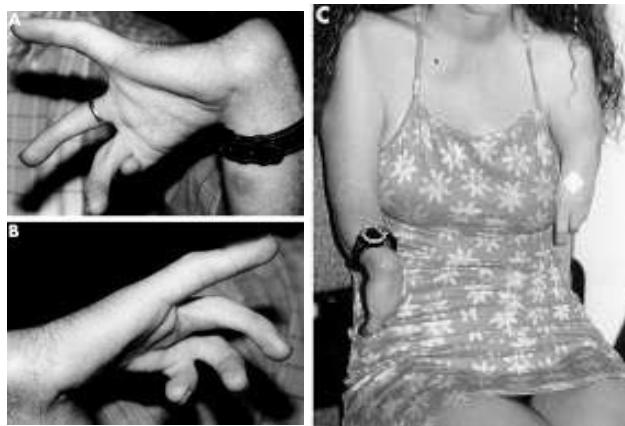
コムギ無細胞系を用いたサリドマイド–ネオ基質相互作用解析系の構築



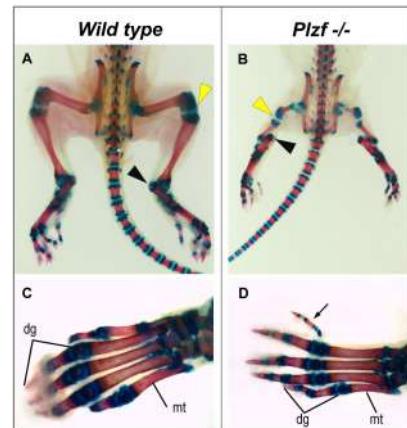
コムギ無細胞系を基盤にしたスクリーニングの結果、
ネオ基質候補としてSALL4およびPLZFを見出した。

コムギ無細胞系を用いたサリドマイド催奇性標的分子の探索

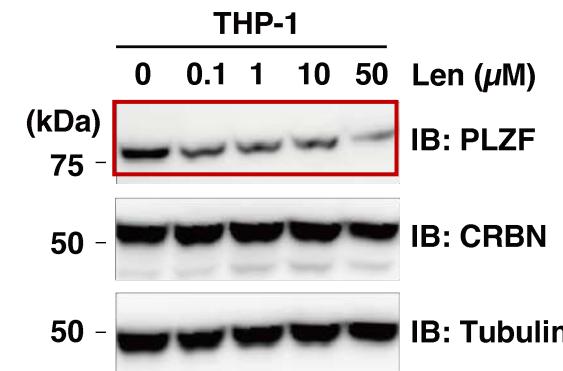
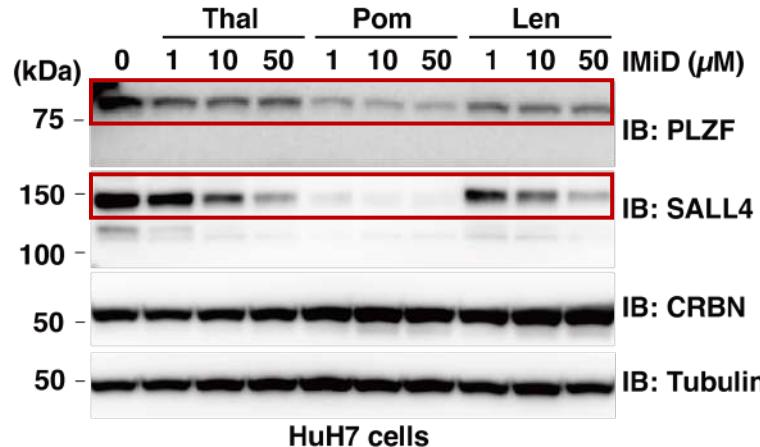
SALL4関連疾患



PLZF変異ラット



サリドマイドによるSALL4及びPLZFのタンパク質分解



世界的に競争の激しい研究領域



SALL4に関しては、
ハーバード大学に
先を越される。

研究人生の中で最も悔
しかった出来事。。。
PLZFだけは絶対に負けられない！！

RESEARCH ARTICLE



Thalidomide promotes degradation of SALL4, a transcription factor implicated in Duane Radial Ray syndrome

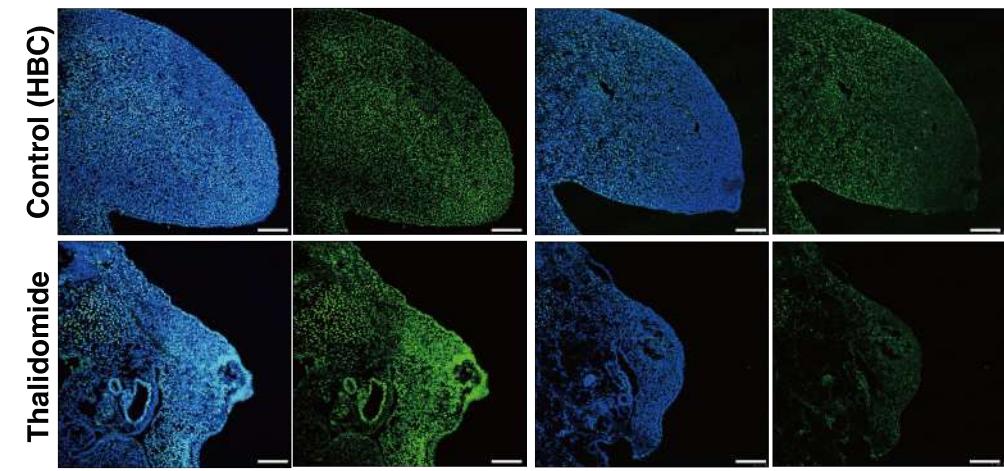
Katherine A Donovan^{1,2}, Jian An^{1,2}, Radosław P Nowak^{1,2}, Jingting C Yuan¹, Emma C Fink^{3,4}, Bethany C Berry¹, Benjamin L Ebert^{3,4}, Eric S Fischer^{1,2*}

¹Department of Cancer Biology, Dana-Farber Cancer Institute, Boston, United States; ²Department of Biological Chemistry and Molecular Pharmacology, Harvard Medical School, Boston, United States; ³Division of Hematology, Brigham and Women's Hospital, Boston, United States; ⁴Department of Medical Oncology, Dana-Farber Cancer Institute, Boston, United States

Donovan et al., eLIFE 2018

ニワトリ胚四肢におけるPLZFの分解

DAPI + GgSALL4 GgSALL4 DAPI + GgPLZF GgPLZF

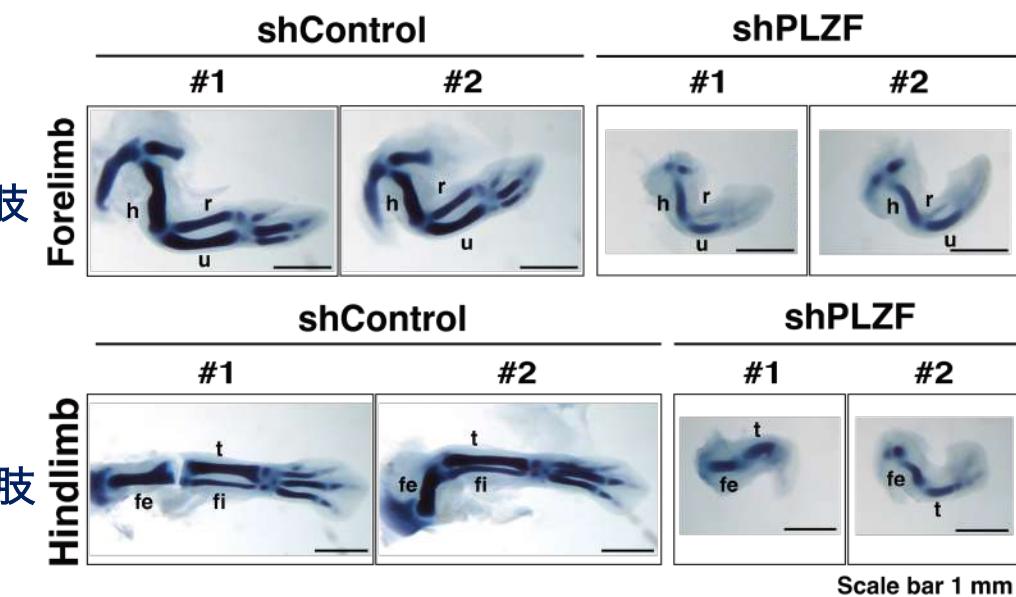


Scale bar 100 μm

見出したSALL4およびPLZFはサリドマイドやその誘導体依存的に分解される。

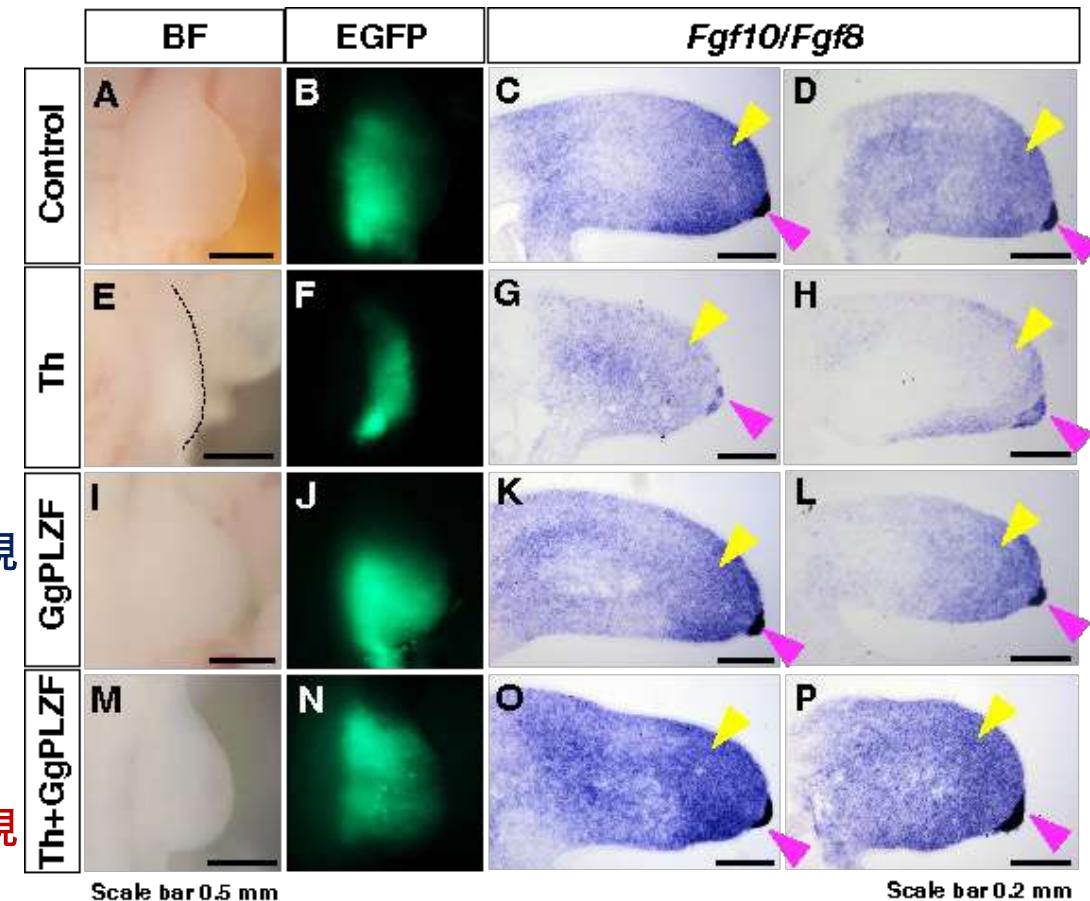
ニワトリ胚を用いたサリドマイド催奇性の解析

PLZF発現を減少させた際の催奇性解析



PLZFのタンパク質量が減少することで四肢に重篤な催奇性を示す。

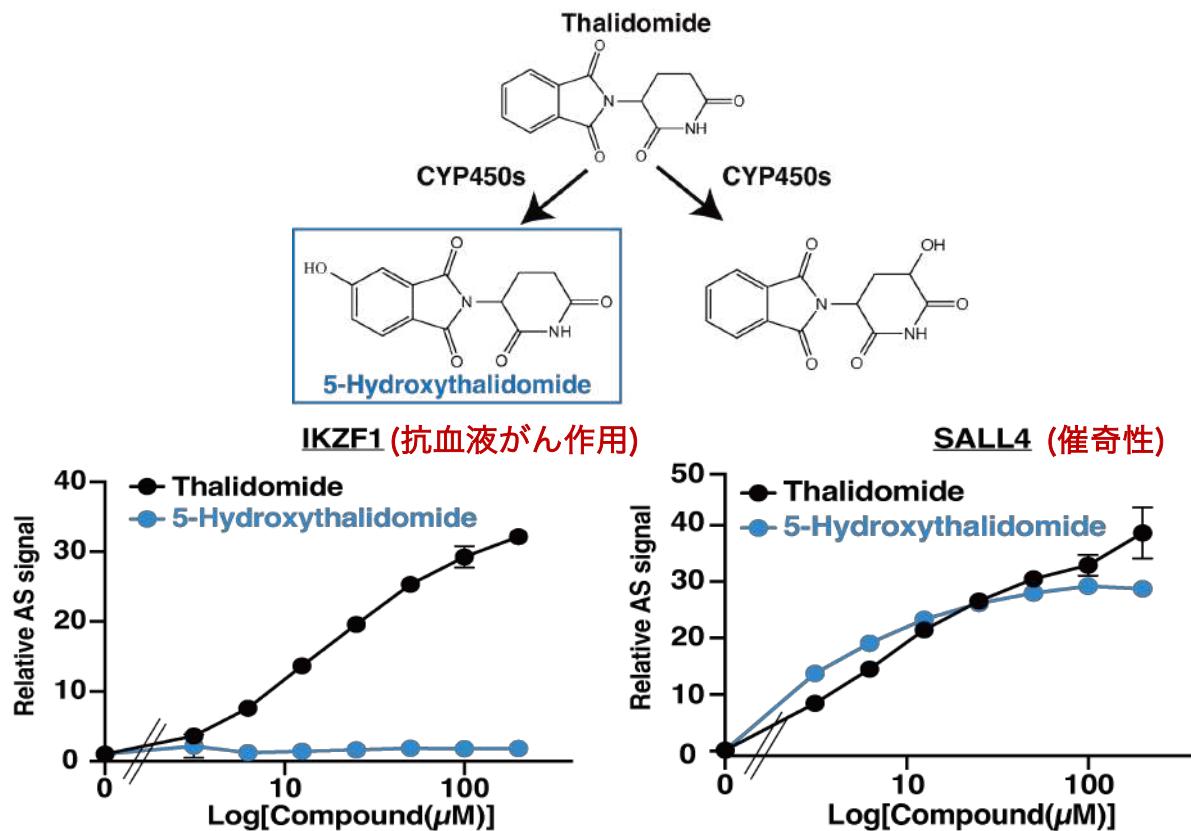
PLZF過剰発現によるレスキュー実験



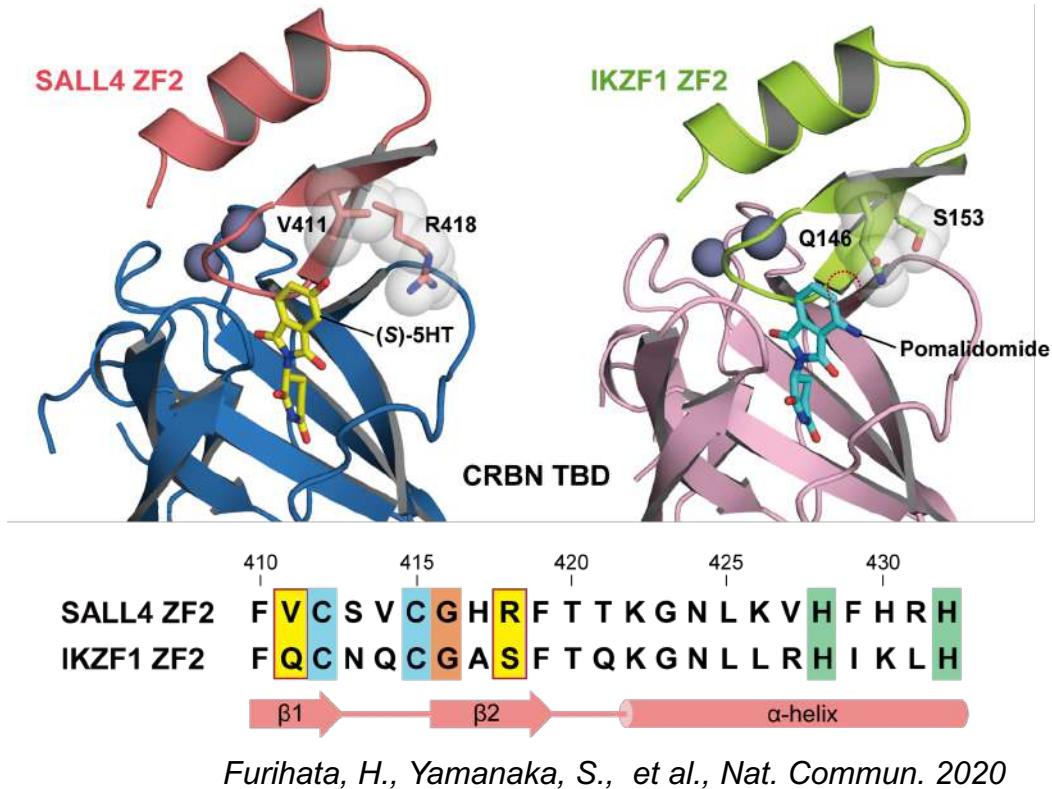
PLZFはサリドマイド催奇性に関与するネオ基質である。

サリドマイド催奇性におけるサリドマイド代謝産物

サリドマイド代謝産物のネオ基質選択性

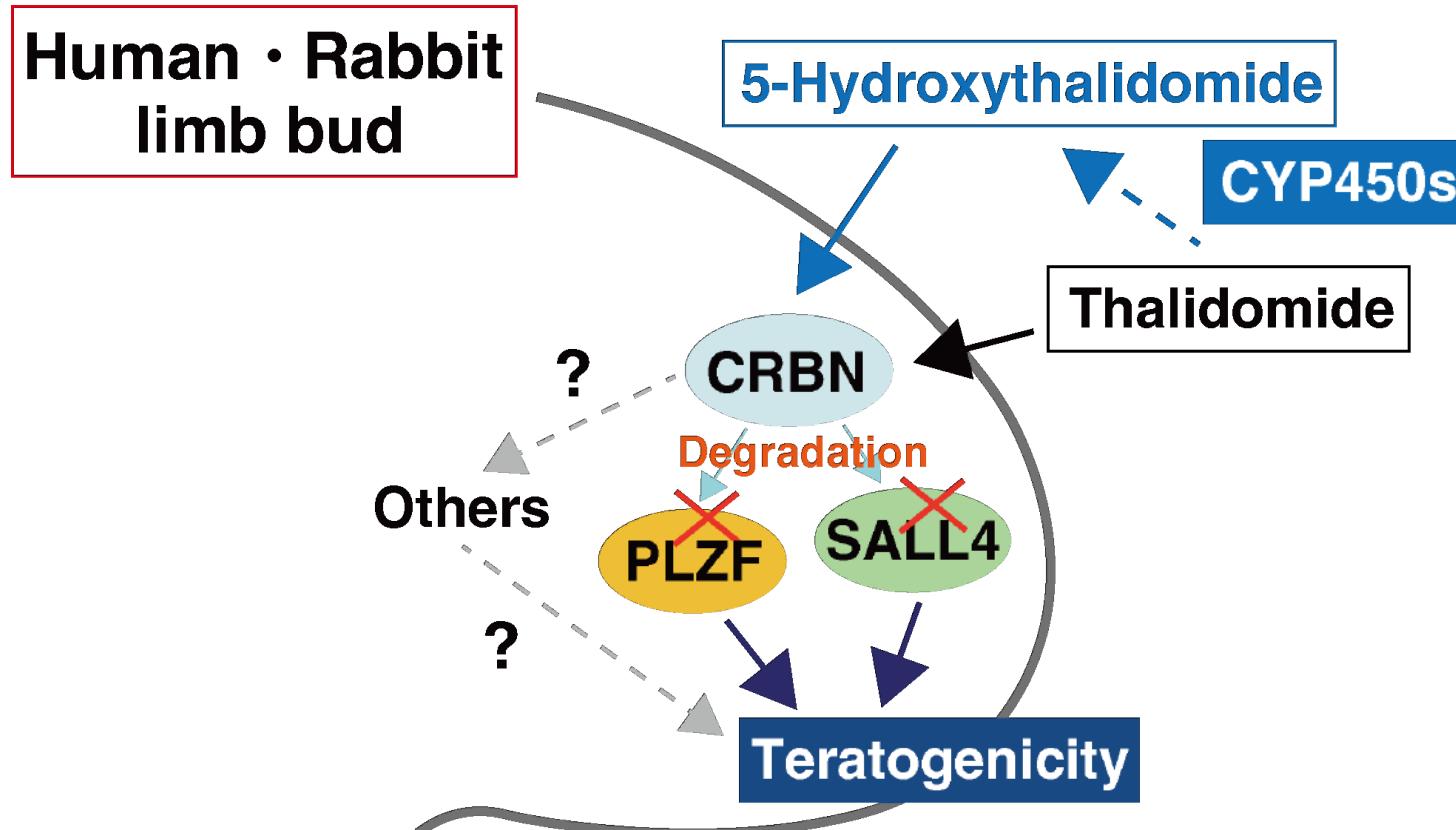


サリドマイド代謝産物のネオ基質選択性における構造基盤の獲得



サリドマイド代謝産物である5位水酸化サリドマイドは、
催奇性関連ネオ基質を選択的かつ強力に分解する。

サリドマイド催奇性メカニズムの提唱



Yamanaka et al., EMBO J 2021

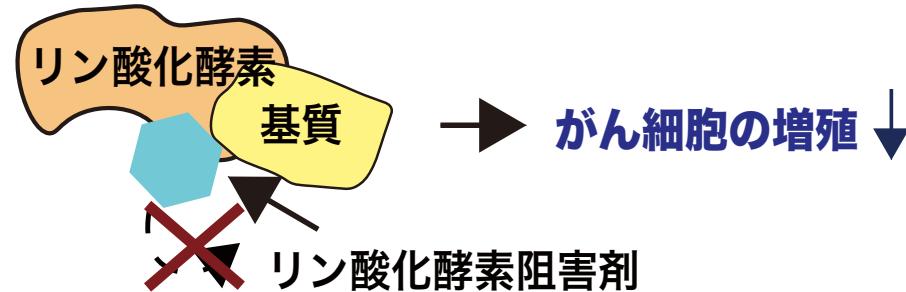
ヒトなどのサリドマイド感受性動物種において、
SALL4およびPLZFの二重分解によって強力な催奇性が誘発される。

タンパク質分解誘導剤(最先端の治療薬)

治療標的タンパク質



従来の低分子薬剤



従来の低分子薬剤の多くは、タンパク質の酵素活性を阻害する。



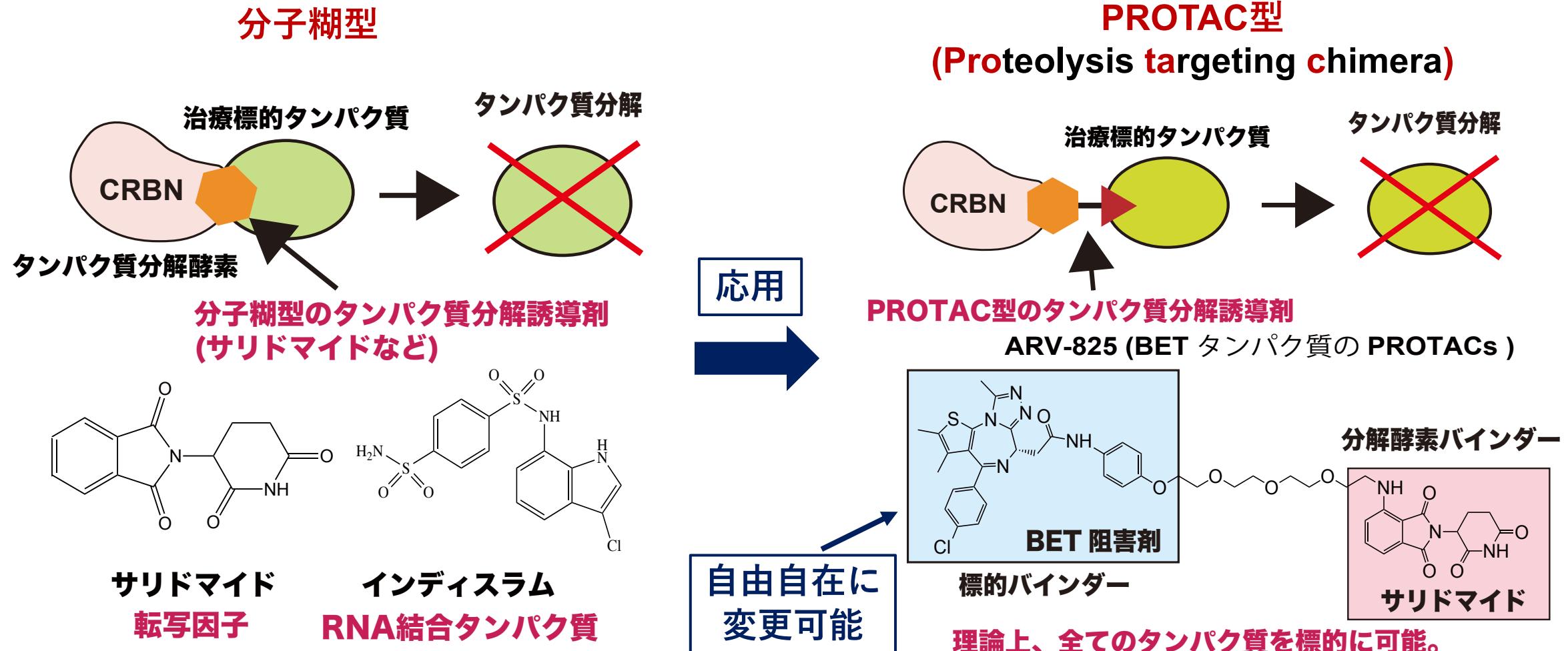
酵素活性を持たないタンパク質は治療標的することが困難。

タンパク質分解誘導剤の特徴

- 触媒的に機能するため、低濃度で効果が絶大である。
- 酵素活性を持たない様な治療標的タンパク質をも標的できる。
- 標的タンパク質の全ての機能を阻害する。

サリドマイドは「タンパク質分解」という、
強力かつ新たな薬剤の作用メカニズムを切り拓いた。

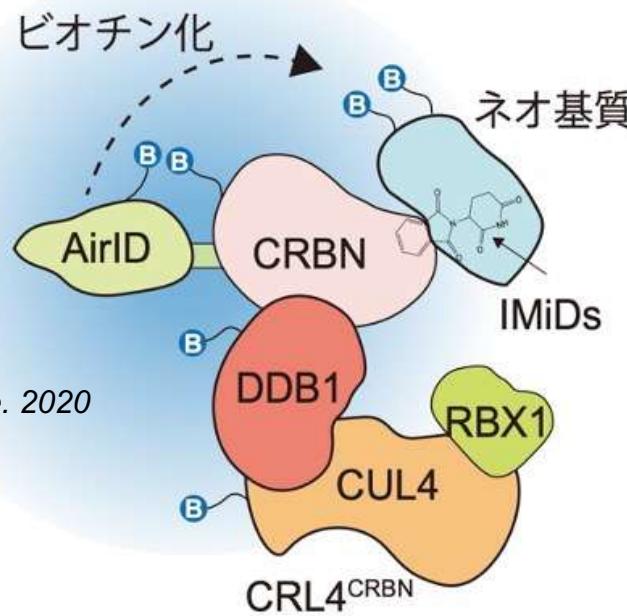
キメラ型タンパク質分解誘導剤PROTAC



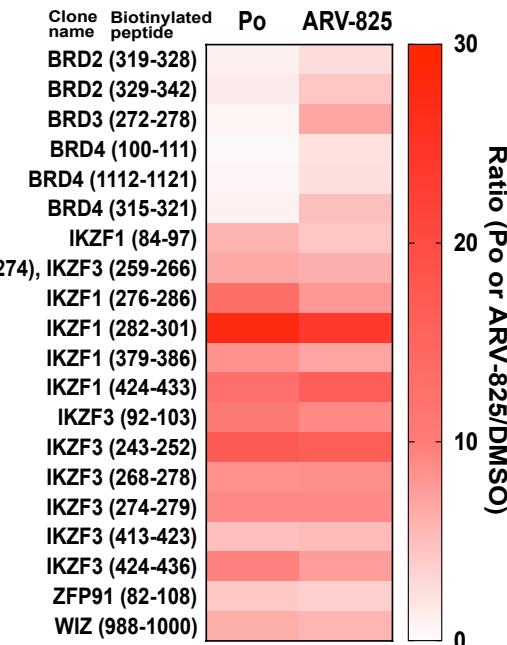
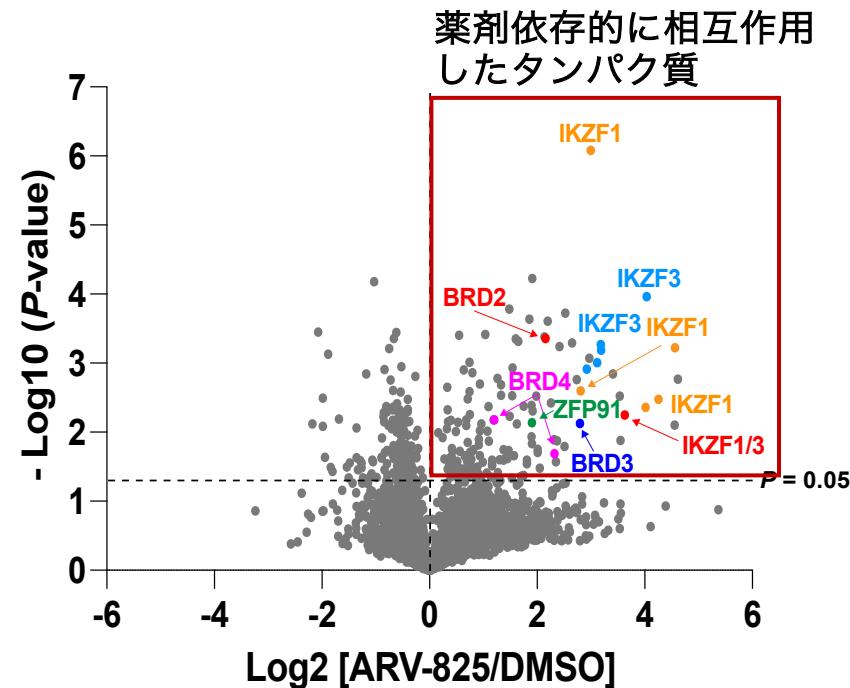
タンパク質分解誘導剤は「次世代の創薬」として世界中で研究開発が行われており、いくつかは既に臨床段階である。

AirIDを用いた細胞内におけるタンパク質分解誘導剤依存的な相互作用解析

愛媛大学PROSで開発された近位依存性ビオチン化酵素AirIDを用いた解析技術



質量分析を組み合わせた網羅的な相互作用解析



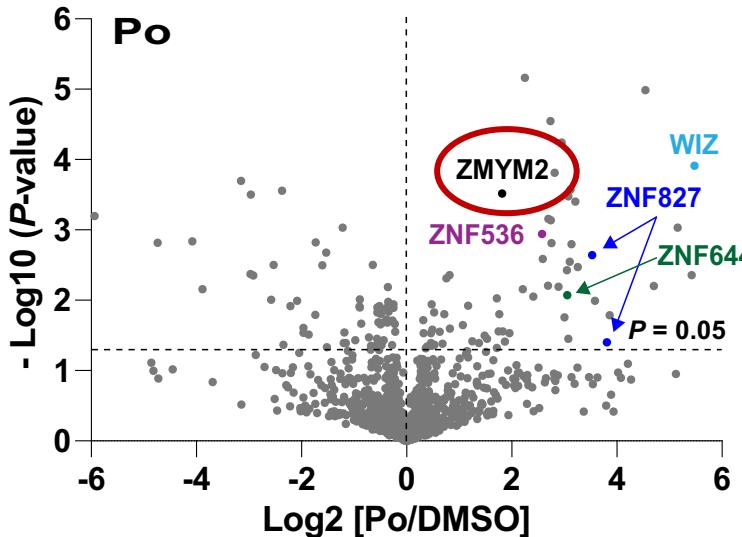
Yamanaka et al., Nat. Commun. 2022

AirIDを用いることで、

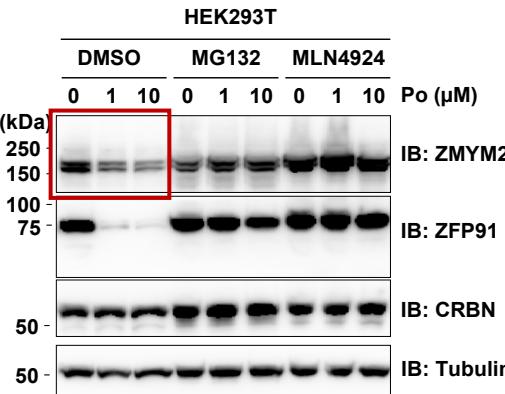
細胞内における薬剤(タンパク質分解誘導剤)依存的な相互作用解析技術を構築した。

AirIDを用いた疾患関連ネオ基質の発見

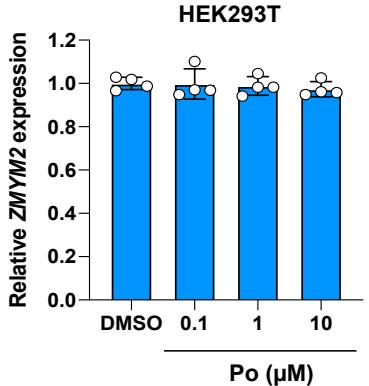
新規ネオ基質ZMYM2の発見



タンパク質の分解



mRNA変化なし



血液がん関与ネオ基質ZMYM2-FGFR1の発見

染色体転座に伴い
血液がんを引き起こす

Gene fusion
(Type 1)

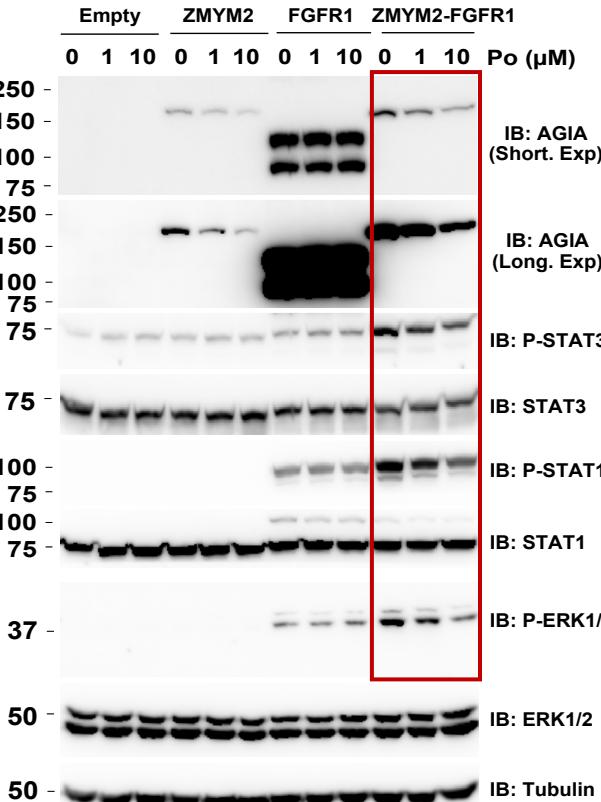
Myeloproliferative
syndrome

Peripheral T-cell
lymphoma



BCR-FGFR1
CNTRL-FGFR1
CUX1-FGFR1
ETV6-FGFR3
FGFR1OP-FGFR1
FGFR1OP2-FGFR1
LRRKIP1-FGFR1
MYO18A-FGFR1
RANBP2-FGFR1
TPR-FGFR1
TRIM24-FGFR1
ZMYM2-FGFR1

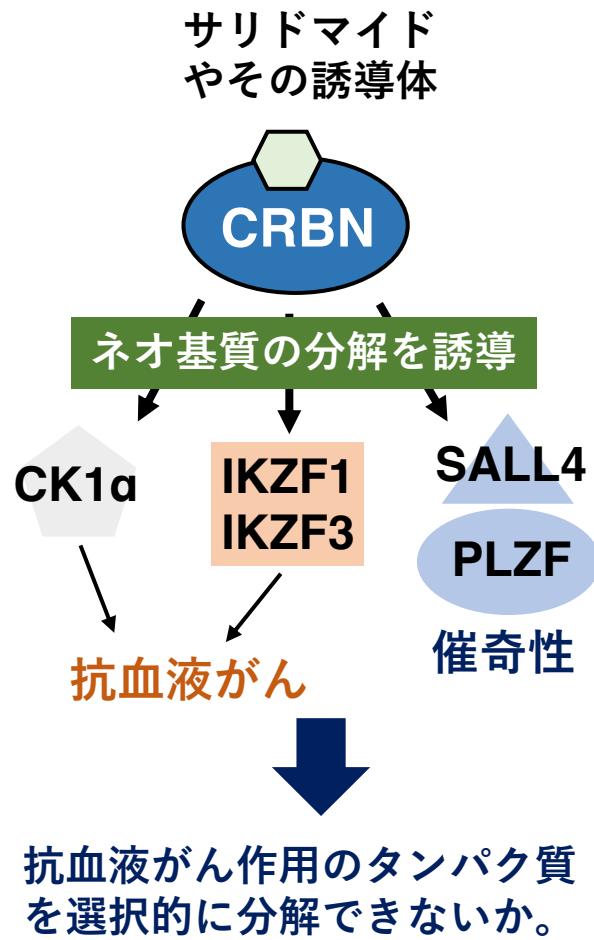
Katou Masaru., J. Mol. Med. 2016



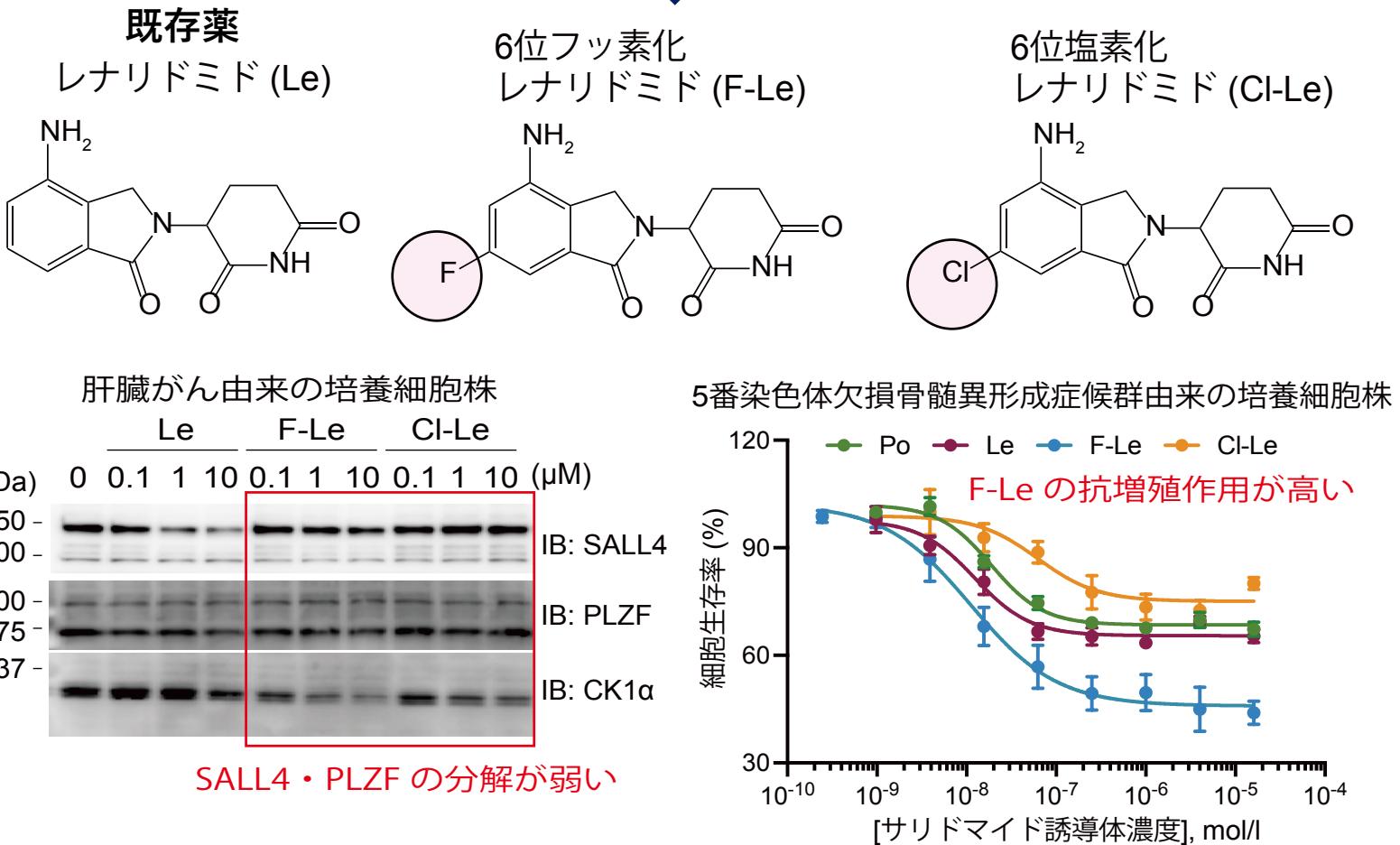
Yamanaka et al., Nat. Commun. 2022

開発した評価系を用いることで、
サリドマイド誘導体の新たな標的を見出した。

催奇性を回避した血液がんに有効な新規サリドマイド誘導体の開発



約150種類のサリマイト誘導体を用いたスクリーニングの結果

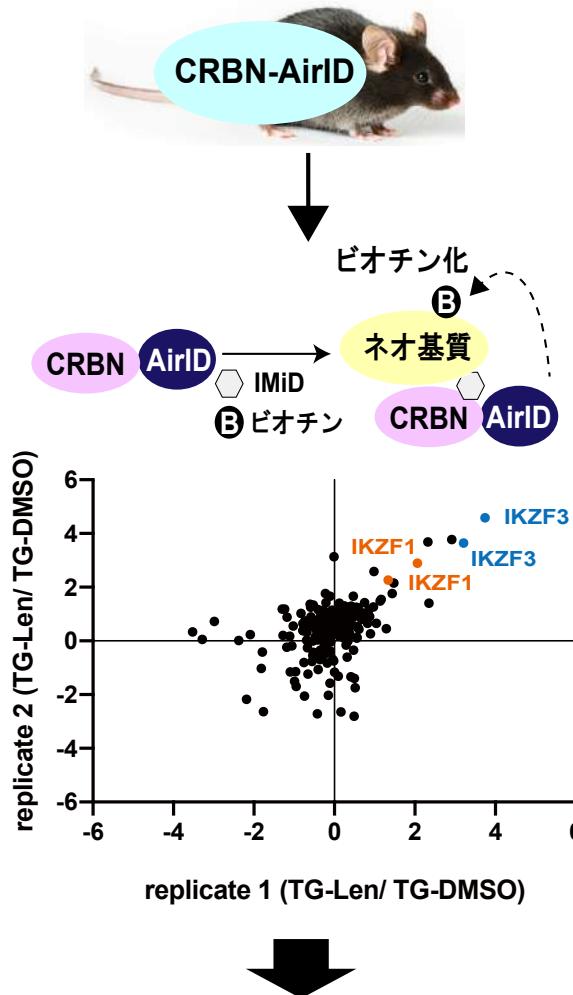


Yamanaka et al., Nat. Commun. 2023

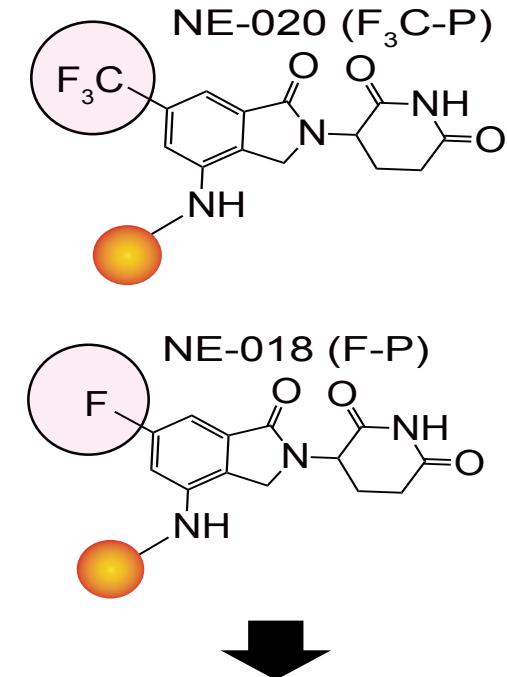
催奇性を軽減し、高い抗血液がん作用を示す新規サリドマイド誘導体を開発した。

現在取り組んでいる研究

生体内におけるタンパク質分解誘導剤依存的な相互作用解析



選択的なタンパク質分解薬の開発

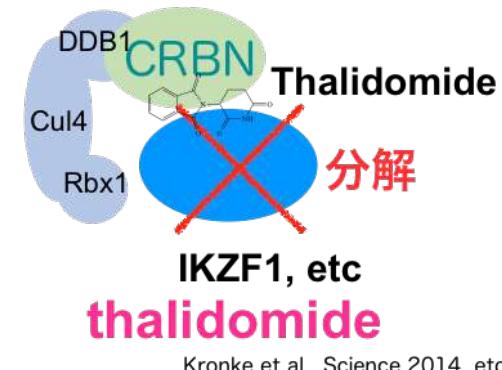


副作用を軽減した様々な疾患に対する
タンパク質分解誘導剤の開発へ

動物細胞において未発見である
生体内タンパク質分解誘導分子の発見



Tan et al., Nature 2007



Kronke et al., Science 2014, etc

世界初の動物細胞におけるタンパク質分解誘導分子の発見へ

タンパク質分解誘導剤開発のため
の評価系の構築へ

謝辞

Biochemical and cell-based analyses

Ehime University

Tatsuya Sawasaki Hiroyuki Takeda
Hirotaka Takahashi Takahiro Iwasaki

Yuki Shoya
Yuto Horiuchi

Saya Matsuoka
Koya Nagaoka
Kohki Kido

Synthesis of thalidomide derivatives and PROTAC

Nagoya Institute of Technology

Shibata Norio
Etsuko Tokunaga
Mayaka Maeno
Akihito Taya
Takato Nagasaka
Mai Usui



Analysis of teratogenicity in chicken embryos

Tohoku University

Koji Tamura
Hidetaka Murai
Gembu Abe

Kyushu University

Daisuke Saito

Nagoya University
Takayuki Suzuki

X-ray structural analysis

The University of Tokyo

Hirotake Furihata
Takuya Miyakawa
Masaru Tanokura

LC-MS/MS analyses

Tokushima University

Hidetaka Kosako
Kohei Nishino

Mouse Generation and analyses

Ehime University

Yuki Imai
Yuta Yanagihara

RIKEN

Ichiro Taniuchi
Satoshi Kojo
Kazuki Okuyama
Chizuko Miyamoto

